

表 1. 研究対象者の臨床検査データ

	健常者 (n=3)	AgP-III (n=3)	AgP-IV (n=3)	p 値
ステージ / グレード		III / C	IV / C	
初診時年齢 (歳)	29.0 ± 0.8	30.0 ± 2.9	23.0 ± 1.4	<0.05*
歯周炎症表面積 (mm ²)	168.7 ± 79.4	839.9 ± 386.8	2,275.9 ± 346.1	<0.05 [†]
歯槽骨吸収レベル (%)	2.1 ± 1.3	20.9 ± 5.8	29.4 ± 11.0	<0.05 [#]

データは全て各群の平均値 ± 標準偏差 ; One-way ANOVA / Tukey-Kramer test (*: H vs. AgP-IV, AgP-III vs. AgP-IV ; †: H vs. AgP-IV, AgP-III vs. AgP-IV ; #: H vs. AgP-IV)

表 2. マーカー候補 miRNA の標的遺伝子

miRNA	miR-5090	miR-4313	miR-4515	miR-1206	miR-4532	miR-181b-5p
標的遺伝子	IL-17	BMP-1, -2, 3	BMP-3	BMP-2	CCL2, 5	CCL2, 5
	TNF	CXCL12	CXCL12	CXCL12	IL-17	IL-1, -2, -6
		IL-17, -21	IL-2, -3, -6, -18	IL-1, -13	TNF	
		TNF	TNF			

miRNA 標的遺伝子の予測アルゴリズムである miRWalk を用いて解析した炎症に関与する代表的な遺伝子リスト

表 3. 本研究で用いた PCR プライマー

標的遺伝子	塩基配列
<i>GAPDH</i>	F:5' -GGCCTCCAAGGAGTAAGACC- 3'
	R:5' -AGGGGTCTACATGGCAACTG- 3'
<i>TWF-1</i>	F:5' -CCCAAGGATTCAGCTCGTTA -3'
	R:5' -GCATGTGTATCCAGGCATTG -3'
<i>IL-6</i>	F:5' -CAAAGATGGCTGAAAAAGATGGA -3'
	R:5' -CTGTTCTGGAGGTACTCTAGGT -3'
<i>IL-1β</i>	F:5' -AAGCGGCCAGGATATAACT -3'
	R:5' -CCCTAGGGATTGAGTCCACA -3'
<i>Gapdh</i>	F:5' -CACCATGGAGAAGGCCGGGG- 3'
	R:5' -GACGGACACATTGGGGGTAG- 3'
<i>Twf-1</i>	F:5' -AATGGGGATGAGTTGACTGC- 3'
	R:5' -GGGCCCTAATTAGTCTTCG- 3'
<i>Il-6</i>	F:5' -CAAAGATGGCTGAAAAAGATGGA -3'
	R:5' -CTGTTCTGGAGGTACTCTAGGT- 3'
<i>Il-1β</i>	F:5' -AGAAGCTTCCACCAATACTC-3' -3'
	R:5' -AGCACCTAGTTGTAAGGAAG- 3'
<i>Socs 3</i>	F:5' -AGCTCCAAAAGCGAGTACCA- 3'
	R:5' -TGACGCTCAACGTGAAGAAG- 3'

F:Forward, R:Reverse