

表1 対象被験者の特徴

	Control (n = 4)	Periodontitis (n = 4)	<i>p</i>
男性率 – no. (%)	4 (100)	4 (100)	
年齢 – years old	74.8 ± 4.3	75.0 ± 3.2	0.884
喫煙者率 – no. (%)	0	1 (25)	
糖尿病罹患率 – no. (%)	2 (50)	2 (50)	
高血圧症罹患率 – no. (%)	2 (50)	2 (50)	
家族における心臓血管疾患発症率 – no. (%)	0	1 (25)	
Body mass index	25.7 ± 3.2	25.4 ± 1.7	0.885
血圧 – mm Hg			
・収縮期	128.5 ± 24.2	134.5 ± 16.3	0.772
・拡張期	69.3 ± 22.3	72.5 ± 14.2	0.663
CRP – mg/dL	0.32 ± 0.32	0.16 ± 0.17	0.386
白血球数 – × 10 ⁴ /μL	6,535 ± 754	6,293 ± 983	0.564
コレステロール値 – mg/dL	163.3 ± 31.7	187 ± 40.3	0.309
・High-density lipoprotein (HDL)	31.7 ± 5.1	42.1 ± 2.9	0.248
・Low-density lipoprotein (LDL)	79.8 ± 8.7	118.5 ± 33.9	0.248
中性脂肪値 – mg/dL	234 ± 224.4	164.5 ± 107.3	0.773
HbA1c (NGSP) – %	6.1 ± 0.6	6.8 ± 0.9	0.248

* : *p* < 0.05 Mann-Whitney *U* Test

表2 対象被験者の歯周炎罹患状態

	Control (n = 4)	Periodontitis (n = 4)	<i>p</i>
現在歯数	24.8 ± 2.2	19.8 ± 7.4	0.561
歯周ポケット深さ			
▪ 1～3mm – (%)	97.9 ± 1.8	71.4 ± 4.5	0.021*
▪ 4～6mm – (%)	2.0 ± 1.8	27.2 ± 4.3	0.021*
▪ 7mm以上 – (%)	0.2 ± 0.3	2.9 ± 2.1	0.026*
プロービング時の出血陽性率 (%)	7.8 ± 8.1	24.0 ± 12.8	0.081
歯周病原細菌に対する血清IgG抗体価検査			
▪ <i>A. actinomycetemcomitans</i> Y4	-0.06 ± 0.49	1.85 ± 1.33	0.021*
▪ <i>A. actinomycetemcomitans</i> ATCC29523	0.02 ± 0.38	1.96 ± 0.83	0.021*
▪ <i>A. actinomycetemcomitans</i> SUNY67	0.04 ± 0.71	2.35 ± 1.21	0.021*
▪ <i>C. ochracea</i> S3	-2.70 ± 2.53	1.94 ± 3.08	0.043*
▪ <i>E. corrodens</i> FDC1073	-0.43 ± 0.91	0.43 ± 1.68	0.564
▪ <i>F. nucleatum</i> ATCC25586	-0.11 ± 1.52	2.42 ± 3.82	0.248
▪ <i>P. nigrescens</i> ATCC33563	-0.95 ± 1.44	-0.63 ± 0.63	0.248
▪ <i>P. intermedia</i> ATCC25611	-0.22 ± 0.98	0.50 ± 1.37	0.773
▪ <i>P. gingivalis</i> FDC381	-0.98 ± 0.31	1.83 ± 1.63	0.021*
▪ <i>P. gingivalis</i> SU63	-0.70 ± 0.46	2.58 ± 4.25	0.083
▪ <i>T. denticola</i> ATCC35405	-0.03 ± 2.14	0.37 ± 1.94	0.564
▪ <i>T. forsythia</i> ATCC43037	-0.90 ± 0.25	-0.41 ± 0.80	0.246

* : *p* < 0.05, Mann-Whitney *U* Test

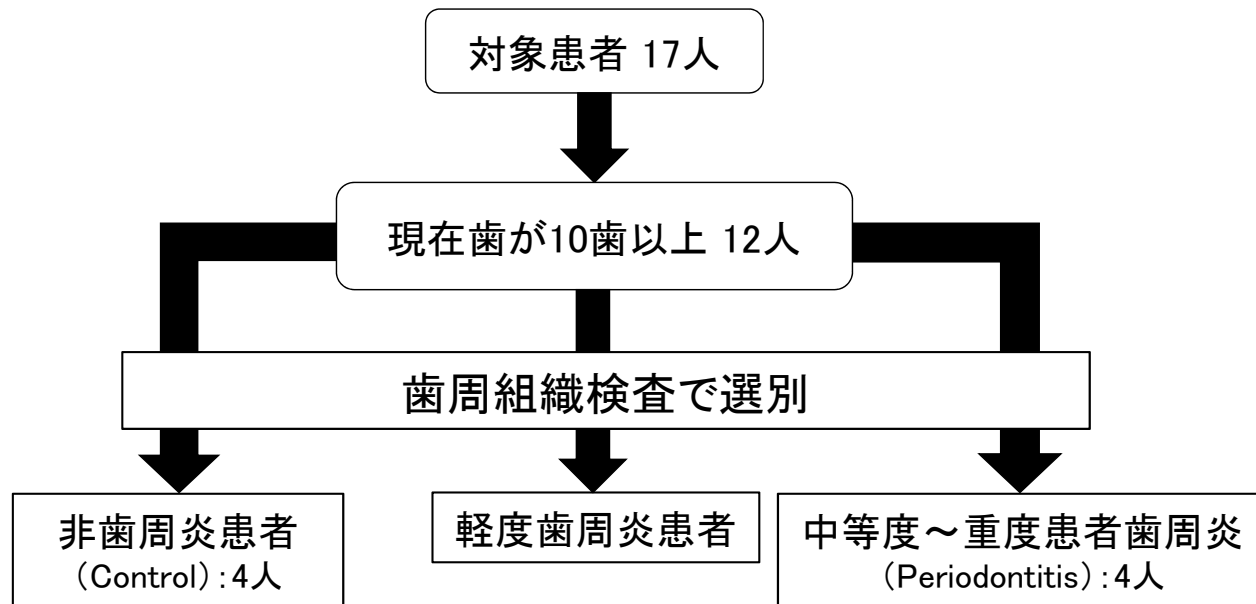


図1 対象被験者の分類

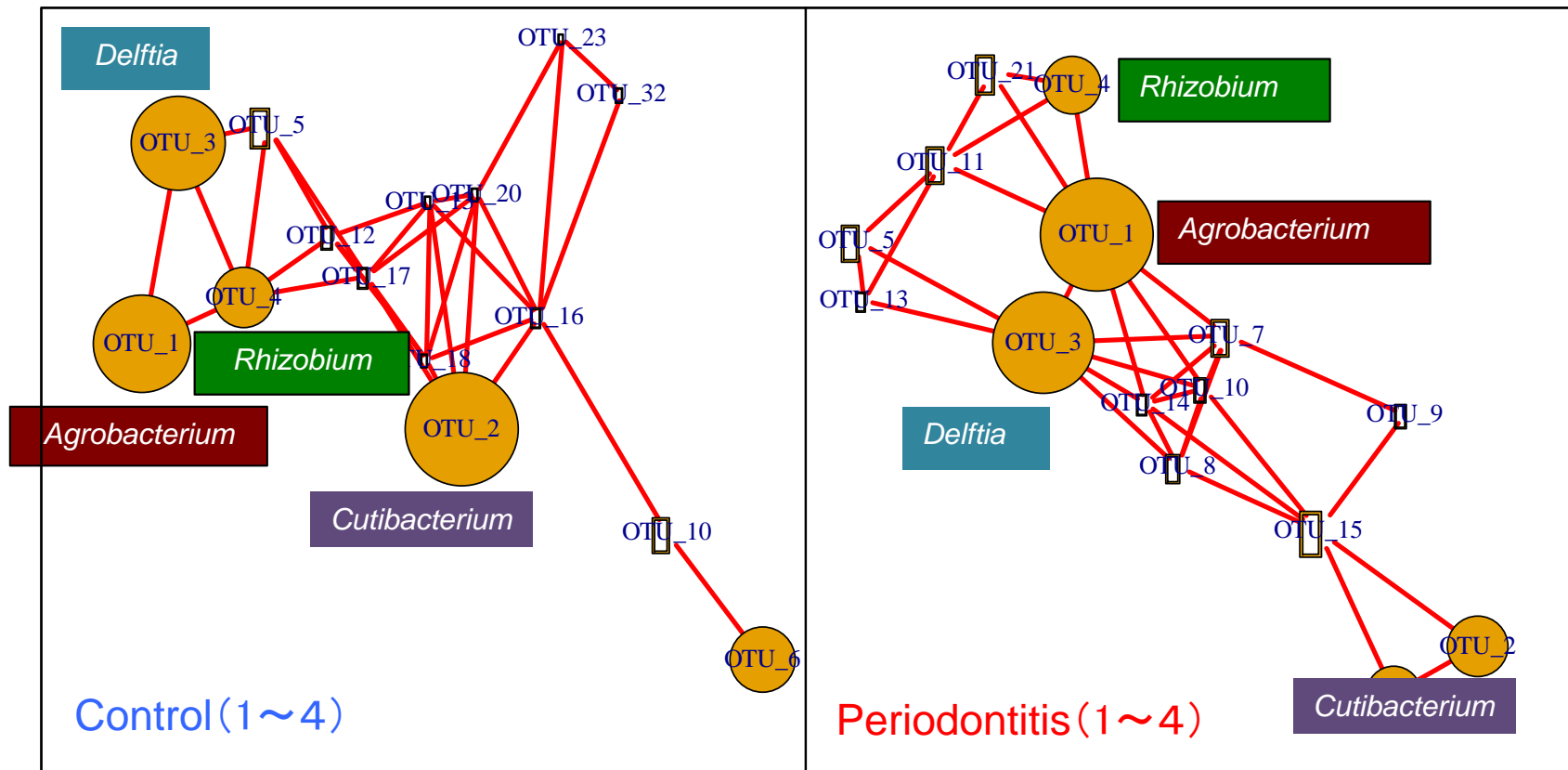


図7 アテローム性プラークマイクロバイオームの共起ネットワーク分析

次世代シーケンス解析で得られたデータから、両群のアテローム性プラークマイクロバイオームにおいて高検出15菌種を選択し、相関係数0.4以上で共起ネットワーク分析で評価した。また、分析には統計分析ソフトQIIMEを使用した。

OTU : Operational Taxonomic unit

OTU_1は*Agrobacterium*属, OTU_2は*Cutibacterium*属,

OTU_3は*Delftia*属, OTU_4は*Rhizobium*属を示す。