氏 名 艾尔肯 牙生

授与した学位 博 士

専攻分野の名称 農 学

学位授与番号 博甲第4281号

学位授与の日付 平成23年 3月25日

学位授与の要件 自然科学研究科 バイオサイエンス専攻

(学位規則第5条第1項該当)

学位論文の題目 中国ハミメロンの多様性および中央・南アジアのメロンとの類縁関係に関する分

子遺伝学的解析

論 文審 查 委 員 教授 加藤 鎌司 教授 桝田 正治 教授 田原 誠

学位論文内容の要旨

中国新疆ウィグル自治区特産のメロンであるハミウリは形態的・生態的に多様であり、cassaba、chandalak、ameri 及び zard の4変種に分類されている。しかしながら、変種内における遺伝的多様性や変種間での遺伝的類縁関係はほとんど研究されていない。そこで本研究では、ハミウリおよび近隣地域の在来品種を含むメロン 120 系統を供試して、形態形質 (種子長) ならびに葉緑体ゲノム及び核ゲノムの塩基配列多型を解析し、遺伝的多様性ならびに類縁関係を明らかにした。

ハミウリ 24 品種の種子長はいずれも 9mm 以上であり、欧米のフユメロン (Inodorus) 品種と同じく大粒系に分類され、中国東部や日本のマクワ・シロウリ (Conomon、種子長が 9mm 未満の小粒系) とは明瞭に異なった。一方、イラン、アフガニスタン、パキスタン及び中央アジア諸国では、大粒系と小粒系の両者が混在し、多様性に富むことが明らかになった。

ハミウリと同じ母系のメロン品種(群)を特定するために、植物において母性遺伝する葉緑体ゲノムの PS-ID 領域 (rpl16-rpl14) における SNP (A/T の一塩基多型) および ccSSR7 マーカーのサイズ多型 (333 bp / 338 bp) を解析した。その結果、本研究で供試したメロン品種が 3 種類の細胞質型 (母系) に分けられること、そしてハミウリの細胞質型 (T/338 bp 型) が中国東部のマクワ・シロウリ (Conomon) 及び欧米のフユメロン品種 (T/333 bp 型) と異なることが明らかになった。一方、ハミウリと同じ細胞質型(T/338 bp 型)の大粒系メロンがイランから中央アジアに至る地域に多く分布することが確認された。これらの結果より、ハミウリが西域の中央アジア諸国から導入されたこと、そして中国東部のマクワ・シロウリ (Conomon) とは別起源であることが強く示唆された。

そこで、RAPD 分析及び SSR 分析により核ゲノムの多様性を解析したところ、ハミウリの多様性指数 (D=0.243) が他地域の在来メロンより低いことが判明した。系統間での遺伝的距離に基づくクラスター分析の結果、ハミウリ 24 系統のうち果実の貯蔵性に優れる ameri 変種および zard 変種のほとんどを含む 20 系統が第 II クラスターに分類されたことから、両変種は遺伝的に分化していないと考えられた。一方、早熟で果実の貯蔵性が悪い chandalak 変種は第 4 及び第 6 クラスターに分類され、上記 2 変種とは遺伝的に分化していることが判明した。第 2 クラスターには他地域のメロン 12 系統も含まれたが、このうちトルクメニスタンおよびアフガニスタンのメロン 3 系統がハミウリと同じく大粒系で細胞質が T/338 bp 型であったことから、ハミウリが西域の中央アジア諸国から導入されたと結論づけた。また、中国東部のマクワ・シロウリは小粒系、A/338 bp 型であり、また核ゲノムの解析でも第 1~第 9 クラスターから遠く離れた第 10 クラスターに分類されたことから、ハミウリとは別起源であることが確認された。

また、比較品種として供試した日本のネットメロン育種の基幹品種である"Earl's Favourite"の起源について、イランから新疆に至る地域のフユメロン (Inodorus) とヨーロッパの Cantalupensis メロンとの間の交雑により育成された可能性が示唆された。

論文審査結果の要旨

本論文では、中国新疆ウィグル自治区特産のメロンであるハミウリにおける遺伝学的多様性及び周辺諸国のメロンとの類縁関係を明らかにするために、ハミウリおよび近隣地域の在来品種を含むメロン 120 系統を供試して、形態形質(種子長)ならびに葉緑体ゲノム及び核ゲノムの塩基配列多型を解析している。まず、第2章では、中国におけるメロンの分類と形態的・生態的な特徴について、主に文献情報に基づいてまとめられており、ハミウリの分類学的位置づけが明らかにされている。さらに第3章では、新疆で採集されたハミウリ遺伝資源の多様性ならびにこれら遺伝資源を利用したハミウリ育種の歴史と現状がまとめられている。このように形態的・生態的に多様なハミウリの遺伝的多様性ならびに周辺地域のメロンとの類縁関係を明らかにするために、第4章では、葉緑体および核ゲノムの DNA 多型解析が展開されている。その結果、ハミウリの細胞質型が中国東部のマクワ・シロウリ及び欧米のフユメロンと異なること、そしてハミウリと同じ細胞質型の大粒系メロンがイランから中央アジアに至る地域に多く分布することを明らかにした。さらに、核ゲノムの多様性解析によりハミウリの4変種間での遺伝的分化を明らかにするとともに、ハミウリが西域の中央アジア諸国から導入されたこと、そして中国東部のマクワ・シロウリとは別起源であることを明らかにした。

以上のように、本研究は中国新疆ウィグル自治区のハミウリにおける遺伝的多様性を明らかにするとともに、核及び細胞質ゲノムの解析結果に基づいてハミウリ在来品種の変種分化、さらにはその起源についても明らかにしており、学術的に高く評価される。よって、本論文は博士(農学)学位論文に値するものと判定する。